

III БҮЛЭГ. ТЕХНИКИЙН ТОДОРХОЙЛОЛТ, ТАВИГДАХ ШААРДЛАГА

Монгол орны археологийн нэн ховор олдворийн дээж материалд шинэ үеийн нуклеотидийн дараалал тогтоох аргаар /NGS/ генийн дараалал тогтоох, гаплотипийг тогтоох, шинжилгээ, судалгааны ажлын тодорхойлолт

№	Хийх ажил	Үе шатны ажлын хуваарь	
1	<p>Хийх ажил:</p> <p>Next-Generation Sequencing (NGS) шинжилгээг хийдээ Illumina компаний MiSeq систем болон түүнтэй дүйцэхүйц тоног төхөөрөмж ашигладаг олон улсад хүлээн зөвшөөрөгдсөн АНУ-ын DNA International лаборатори болон түүнтэй дүйцэхүйц American National Standards Institute-ийн National Accreditation Board-аар хүлээн зөвшөөрөгдсөн чанарын шаардлагыг хангасан лабораторит хийнэ.</p> <p>Шинжилгээнд:</p> <ol style="list-style-type: none">ДНХ дээжийн сан /Libraries/ бэлтгэхАвтоматаар кластерүүд үүсгэн митохондрийн болон геномын дараалал тогтоохҮр дүнд боловсруулах	2024.04.25 – ээс 2024.12.31 дуустал	
2	<p>Шинжилээний удирдамж: Next-Generation Sequencing (NGS) шинжилгээг хийхдээ Scientific Working Group on DNA Analysis Methods (SWGDM) удирдамжийг дагаж мөрдөнө.</p>	2024.04.25 – ээс 2024.12.31 дуустал	
3	<p>Программ хангамж: Analysis Module in Universal Analysis Software (UAS), EMPOP mtDNA database software зэрэг программ хангамжтай дүйцэхүйц байна.</p>	2024.04.25 – ээс 2024.12.31 дуустал	

4	<p>Үр дүн: Археологийн олдворын яснаас ялгасан хэт фрагментжсэн ДНХ дээж дээр ForenSeq mtDNA Whole Genome kit, MiSeq FGx Reagent kit – тэй дүйцэхүйц, үзүүлэлтэй цомогууд ашиглан автоматаар кластерүүд үүсгэн митохондрийн болон геномын дараал тогтоох, үүссэн дата дээр Haplotype assignment and kinship on mtDNA analysis дүн шинжилгээ хийж олон улсын эрдэм шинжилгээний өндөртэй сэтгүүлийн шаардлага хангасан үр дүнг боловсруулах.</p>	<p>2024.04.25 – ээс 2024.12.31 дуустал</p>	
---	---	--	--